ZP/ 40 /2020

Gdańsk, dnia 21.04.2020 r.

**Do uczestników postępowania**

Dotyczy: postępowania o udzielenie zamówienia publicznego nr **ZP/ 40 /2020** – **Sukcesywna usługa sekwencjonowania pulowanych bibliotek genomowych metodą nowej generacji (NGS) na platformie Illumina**, *w ramach realizowanego projektu* „*Mutacje nabywane w trakcie rozwoju i życia człowieka powodujące zwiększone ryzyko chorób, w szczególności nowotworów”* realizowanego w Programie na Rzecz Nauki Polskiej pt. „Międzynarodowe Agendy Badawcze” finansowanym ze środków Europejskiego Funduszu Rozwoju Regionalnego w ramach Programu Operacyjnego Inteligentny Rozwój, Oś IV: Zwiększenie potencjału naukowo-badawczego, Działanie 4.3. Międzynarodowe Agendy Badawcze, nr umowy MAB/2018/6.

Gdański Uniwersytet Medyczny zawiadamia, iż na zgłoszone pisemnie pytania udziela odpowiedzi w oparciu o art. 38 ust. 1 i 2 ustawy Prawo zamówień publicznych oraz na podstawie art. 38 ust. 4 ustawy Prawo zamówień publicznych dokonuje modyfikacji zapisów SIWZ.

**Pytanie 1:** Załącznik nr 3  (opis przedmiotu zamówienia) punkt nr 2 jest zapis:

a)      w komorze przepływowej S2 w konfiguracji 2x50 bp w komorze przepływowej (maksymalna pojemność 200);

b)      w komorze przepływowej S4 w konfiguracji 2x150bp (maksymalna pojemność 750 Gbp, 5 \* 10 ^ 9 odczytów na ścieżce).

Załącznik nr 3  (opis przedmiotu zamówienia) w punkcie nr 9 jest zapis:W zależności od ilości próbek, Wykonawca zobowiązany jest przeznaczyć całą ścieżkę lub komorę przepływową na potrzeby Zamawiającego. Zamawiający nie dopuszcza łączenia próbek w przebiegu z próbkami zewnętrznymi.

Prosimy o zgodę na złożenie naszej oferty z wyceną pełnej komory: S1, S2 oraz S4, ponieważ prosicie Państwo w punkcie nr 9 o nie łączenie Państwa próbek w przebiegu z próbkami zewnętrznymi. Cała mniejsza komora ma zbliżone przepustowości do pojedynczych ścieżek w wiekszych komorach.

Sekwencjonujemy w zakresie specyfikacji urządzenia/ wymienionych komór, czyli:

S2 (2 ścieżki): 333-417 Gb (2x50bp), 1000-1250 Gb (2x150bp)

S4 (4 ścieżki):  2400-3000 Gb (2x150bp)

S1 (2 ścieżki):  134-167 Gb (2x50bp), 400-500 Gb (2x150bp)

**Odpowiedz:** Zamawiający nie wyrażamy zgody na sekwencjonowanie nie spełniające specyfikacji tj. dla komory S4 minimum 750 Gbp, 5 \* 10 ^ 9 odczytów na ścieżce, dla komory S2 minimum pojemność 200 Gbp, 3-4 \* 10^9 odczytów na ścieżkę.

Zamawiający zobowiązuję się, aby przekazać odpowiednią ilość próbek do zapełnienia jeden ścieżki.

Dodatkowo Zamawiający informuje, iż w dniu 21.04.2010 r. dokonał modyfikacji załącznika nr 4 (projekt umowy). Zmodyfikowany załącznik umieszczono na platformie zakupowej w dniu 21.04.2020 r.

*Kanclerz*

*/-/*

*Marek Langowski*